

JAFET M. NASSAR, J. L. HAMRICK, AND THEODORE H. FLEMING. 2003. Population genetic structure of Venezuelan chiropterophilous columnar cacti (Cactaceae). *American Journal of Botany* 90(11): 1628-1637.

Appendix 1. Estimated allele frequencies in 15 populations of *Stenocereus griseus*.

Locus	Allele	Populations							
		AND21	AND32	ARA01	GUA01	LAF11	LAF21	LAF31	LAF32
<i>Aat-1</i>	1	0.958	0.948	1.000	1.000	0.943	0.947	0.990	0.979
	2	0.042	0.052	0.000	0.000	0.057	0.053	0.010	0.021
<i>Dia-1</i>	1	0.000	0.000	0.104	0.000	0.000	0.000	0.021	0.021
	2	0.844	1.000	0.802	0.906	0.909	1.000	0.979	0.979
	3	0.156	0.000	0.000	0.000	0.091	0.000	0.000	0.000
<i>Dia-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.094	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	0.750	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	3	0.000	0.250	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.333	0.000	0.198	0.063	0.602	0.383	0.177	0.115
	3	0.667	1.000	0.802	0.938	0.398	0.617	0.823	0.885
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-2</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	0.979	1.000	1.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000
<i>Idh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	1.000	1.000	0.977	1.000	1.000	1.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000	0.000
<i>Lap-1</i>	1	0.167	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000
	2	0.615	0.906	0.042	0.000	0.261	0.202	0.000	0.021
	3	0.146	0.031	0.573	0.396	0.341	0.489	0.406	0.344
	4	0.073	0.063	0.385	0.604	0.398	0.298	0.594	0.635
<i>Mdh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.990	1.000	1.000	0.979	1.000	1.000	1.000	1.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.000
	4	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mdh-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.135	0.094
	2	1.000	0.854	1.000	1.000	0.977	1.000	0.865	0.906
	3	0.000	0.146	0.000	0.000	0.023	0.000	0.000	0.000
<i>Mdh-3</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Pgi-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
	2	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.021	0.354	0.104	0.344	0.273	0.160	0.323	0.344
	4	0.656	0.229	0.896	0.656	0.727	0.819	0.677	0.646
	5	0.313	0.417	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000
<i>Pgm-2</i>	1	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.177	0.034	0.000	0.010	0.054
	3	1.000	0.990	1.000	0.781	0.784	0.709	0.688	0.609
	4	0.000	0.000	0.000	0.042	0.182	0.291	0.302	0.337
<i>Tpi-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.012
	2	0.534	0.448	0.438	0.292	0.648	0.553	0.531	0.345
	3	0.466	0.552	0.562	0.708	0.352	0.447	0.469	0.643
<i>Tpi-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	0.979	0.979	1.000	1.000	1.000	1.000
	3	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Tpi-3</i>	1	0.094	0.208	0.000	0.000	0.034	0.011	0.010	0.000
	2	0.906	0.792	0.990	1.000	0.943	0.989	0.980	1.000
	3	0.000	0.000	0.010	0.000	0.023	0.000	0.000	0.000
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010	0.000
<i>Ugpp-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
	2	1.000	1.000	1.000	1.000	0.921	0.979	1.000	0.948
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.080	0.000	0.000	0.042
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000
<i>Ugpp-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.023	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.396	0.188	0.031	0.188	0.125	0.075	0.219	0.073
	4	0.552	0.812	0.969	0.813	0.852	0.926	0.781	0.927
	5	0.052	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	6	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>6Pgdh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	1.000	1.000	0.830	1.000	1.000	1.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.046	0.000	0.000	0.000
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.114	0.000	0.000	0.000

