

JAFET M. NASSAR, J. L. HAMRICK, AND THEODORE H. FLEMING. 2003. Population genetic structure of Venezuelan chiropterophilous columnar cacti (Cactaceae). *American Journal of Botany* 90(11): 1628-1637.

Appendix 2. Estimated allele frequencies in 14 populations of *Cereus repandus*.

Locus	Allele	Populations							
		AND21	AND22	BUC01	LAF11	LAF22	LAF31	LAF32	LAF33
<i>Aat-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.225	0.114	0.563	0.542	0.854	0.750	0.792	0.646
	3	0.775	0.886	0.438	0.458	0.146	0.250	0.208	0.354
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-1</i>	1	0.713	0.643	0.167	0.400	0.311	0.402	0.568	0.415
	2	0.288	0.357	0.833	0.525	0.689	0.598	0.432	0.585
	3	0.000	0.000	0.000	0.075	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-2</i>	1	0.000	0.000	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.363	0.300	0.000	0.229	0.302	0.125	0.083	0.031
	3	0.638	0.700	0.969	0.771	0.646	0.813	0.844	0.906
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.052	0.062	0.073	0.063
<i>Idh-1</i>	1	0.238	0.414	0.885	0.458	0.521	0.479	0.406	0.521
	2	0.763	0.586	0.115	0.406	0.479	0.521	0.594	0.479
<i>Mdh-1</i>	3	0.000	0.000	0.000	0.135	0.000	0.000	0.000	0.000
	1	0.000	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mdh-2</i>	2	1.000	1.000	1.000	0.990	1.000	1.000	1.000	1.000
	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mnr-1</i>	2	0.400	0.329	0.000	0.260	0.063	0.021	0.083	0.073
	3	0.600	0.671	1.000	0.708	0.906	0.948	0.865	0.917
	4	0.000	0.000	0.000	0.021	0.000	0.031	0.052	0.010
	5	0.000	0.000	0.000	0.01	0.031	0.000	0.000	0.000
	1	1.000	1.000	1.000	0.958	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Pgi-1</i>	2	0.000	0.000	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	1	0.000	0.000	0.146	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.288	0.243	0.406	0.271	0.125	0.250	0.396	0.354
	3	0.375	0.471	0.000	0.646	0.604	0.208	0.271	0.271
<i>Pgi-2</i>	4	0.338	0.286	0.063	0.063	0.271	0.542	0.333	0.375
	5	0.000	0.000	0.385	0.021	0.000	0.000	0.000	0.000
	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	0.927	1.000	1.000	1.000	0.990	0.979
	3	0.000	0.000	0.073	0.000	0.000	0.000	0.010	0.021
<i>Pgm-1</i>	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.031	0.000	0.000	0.000
	3	1.000	1.000	0.740	0.958	0.938	0.917	0.948	0.990
<i>Tpi-1</i>	4	0.000	0.000	0.260	0.042	0.031	0.083	0.052	0.010
	5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	1	0.225	0.114	0.052	0.010	0.021	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.043	0.167	0.115	0.031	0.042	0.010	0.010
	3	0.775	0.843	0.781	0.875	0.938	0.958	0.990	0.990
<i>Tpi-2</i>	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000
	1	1.000	1.000	1.000	0.990	0.990	1.000	1.000	0.990
	2	0.000	0.000	0.000	0.010	0.010	0.000	0.000	0.010
<i>Ugpp-1</i>	1	0.988	0.986	0.948	0.865	0.978	1.000	1.000	1.000
	2	0.013	0.014	0.052	0.135	0.022	0.000	0.000	0.000
<i>Ugpp-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.042	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.163	0.129	0.094	0.031	0.031	0.000	0.000	0.010
	4	0.713	0.714	0.812	0.917	0.917	0.906	0.990	0.979
	5	0.125	0.157	0.094	0.000	0.052	0.094	0.010	0.010
<i>6Pgdh-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.010	0.104	0.073	0.063	0.115
	2	0.000	0.000	0.000	0.167	0.052	0.000	0.000	0.000
	3	0.925	0.929	0.865	0.823	0.844	0.927	0.938	0.885
	4	0.075	0.071	0.135	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>6Pgdh-3</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.010	0.042	0.010	0.000	0.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.208	0.708	0.073	0.023	0.010
	4	1.000	1.000	1.000	0.781	0.250	0.917	0.977	0.990

Continuation of Appendix 2.

Locus	Allele	Populations					
		LAF34	LAF35	NUE04	PAR01	PAR06	PAR07
<i>Aat-2</i>	1	0.125	0.000	0.083	0.133	0.000	0.052
	2	0.750	0.563	0.771	0.722	0.436	0.885
	3	0.125	0.438	0.146	0.144	0.532	0.063
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.032	0.000
<i>Fe-1</i>	1	0.554	0.542	0.228	0.225	0.330	0.216
	2	0.446	0.458	0.772	0.775	0.670	0.784
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.146	0.073	0.000	0.689	0.415	0.417
	3	0.844	0.896	1.000	0.311	0.585	0.583
	4	0.010	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Idh-1</i>	1	0.396	0.448	0.906	0.244	0.351	0.375
	2	0.594	0.552	0.094	0.756	0.617	0.615
	3	0.010	0.000	0.000	0.000	0.032	0.010
<i>Mdh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Mdh-2</i>	1	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000
	2	0.083	0.064	0.083	0.156	0.170	0.281
	3	0.917	0.915	0.906	0.844	0.830	0.688
	4	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.031
	5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mnr-1</i>	1	1.000	1.000	0.979	1.000	1.000	0.990
	2	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
<i>Pgi-1</i>	1	0.000	0.000	0.010	0.000	0.000	0.000
	2	0.469	0.260	0.125	0.700	0.457	0.500
	3	0.042	0.375	0.479	0.067	0.202	0.156
	4	0.458	0.365	0.219	0.233	0.287	0.333
	5	0.031	0.000	0.167	0.000	0.053	0.010
<i>Pgi-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.089	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	0.927	0.911	0.989	1.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.011	0.000
	4	0.000	0.000	0.073	0.000	0.000	0.000
<i>Pgm-1</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Pgm-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.100	0.021	0.021
	2	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.958	0.927	0.750	0.900	0.979	0.979
	4	0.042	0.052	0.229	0.000	0.000	0.000
	5	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000
<i>Tpi-1</i>	1	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.052
	2	0.000	0.010	0.031	0.511	0.106	0.031
	3	0.979	0.990	0.969	0.489	0.894	0.906
	4	0.010	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
<i>Tpi-2</i>	1	1.000	0.969	1.000	1.000	0.947	1.000
	2	0.000	0.031	0.000	0.000	0.053	0.000
<i>Ugpp-1</i>	1	0.990	1.000	0.917	0.911	0.862	0.927
	2	0.010	0.000	0.083	0.089	0.138	0.073
<i>Ugpp-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.122	0.032	0.052
	3	0.010	0.000	0.094	0.000	0.000	0.000
	4	0.980	0.969	0.906	0.878	0.968	0.948
	5	0.010	0.031	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>6Pgdh-2</i>	1	0.010	0.073	0.000	0.056	0.106	0.385
	2	0.000	0.000	0.000	0.233	0.106	0.052
	3	0.990	0.927	0.875	0.700	0.787	0.563
	4	0.000	0.000	0.125	0.011	0.000	0.000
<i>6Pgdh-3</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
	2	0.000	0.000	0.000	0.044	0.000	0.031
	3	0.188	0.031	0.365	0.433	0.117	0.542
	4	0.813	0.969	0.635	0.522	0.883	0.417