

JAFET M. NASSAR, J. L. HAMRICK, AND THEODORE H. FLEMING. 2003. Population genetic structure of Venezuelan chiropterophilous columnar cacti (Cactaceae). *American Journal of Botany* 90(11): 1628-1637.

Appendix 3. Estimated allele frequencies in 10 populations of *Pilosocereus lanuginosus*.

Locus	Allele	Populations					
		AND11	AND31	LAF34	LAF38	LAF41	MCO01
<i>Aat-1</i>	1	0.846	1.000	0.938	0.896	0.844	0.964
	2	0.154	0.000	0.063	0.104	0.156	0.037
<i>Aat-2</i>	1	0.851	0.542	0.813	0.760	0.708	0.781
	2	0.149	0.302	0.187	0.224	0.250	0.219
	3	0.000	0.156	0.000	0.016	0.042	0.000
<i>Adh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010	0.036
	2	0.109	0.281	0.177	0.083	0.052	0.198
	3	0.891	0.719	0.823	0.917	0.938	0.766
<i>Ako-1</i>	1	1.000	1.000	1.000	0.958	1.000	1.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.042	0.000	0.000
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Dia-1</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Dia-2</i>	1	0.011	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.096	0.187	0.073	0.104	0.208	0.229
	3	0.739	0.813	0.625	0.688	0.677	0.646
	4	0.101	0.000	0.302	0.208	0.115	0.125
	5	0.053	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Fe-2</i>	1	0.058	0.115	0.026	0.021	0.021	0.036
	2	0.942	0.865	0.948	0.953	0.932	0.932
	3	0.000	0.020	0.026	0.026	0.047	0.031
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Gdh-1</i>	1	0.075	0.000	0.000	0.016	0.000	0.000
	2	0.239	0.000	0.047	0.073	0.089	0.000
	3	0.686	0.927	0.927	0.880	0.890	0.859
	4	0.000	0.073	0.026	0.031	0.021	0.141
<i>Idh-1</i>	1	0.383	0.281	0.396	0.458	0.391	0.438
	2	0.617	0.719	0.604	0.526	0.557	0.563
	3	0.000	0.000	0.000	0.016	0.052	0.000
<i>Mdh-1</i>	1	0.575	0.760	0.552	0.651	0.536	0.672
	2	0.425	0.240	0.448	0.349	0.464	0.328
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mdh-2</i>	1	0.090	0.031	0.125	0.099	0.135	0.088
	2	0.910	0.969	0.875	0.901	0.865	0.912
<i>Mdh-3</i>	1	0.000	0.042	0.026	0.000	0.031	0.057
	2	1.000	0.937	0.943	0.990	0.922	0.870
	3	0.000	0.021	0.031	0.010	0.047	0.073
<i>Mdh-4</i>	1	0.027	0.000	0.005	0.042	0.053	0.083
	2	0.973	1.000	0.995	0.958	0.937	0.917
	3	0.745	0.823	0.521	0.604	0.531	0.557
	4	0.186	0.146	0.307	0.203	0.349	0.203
	5	0.069	0.031	0.172	0.162	0.115	0.177
<i>Mnr-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.031	0.005	0.057
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005
	3	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	4	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	5	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.005
<i>Mnr-3</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Pgi-1</i>	1	0.224	0.469	0.234	0.240	0.208	0.297
	2	0.707	0.125	0.734	0.630	0.646	0.552
	3	0.048	0.010	0.021	0.036	0.099	0.099
	4	0.021	0.365	0.010	0.078	0.000	0.052
	5	0.000	0.031	0.000	0.016	0.047	0.000
<i>Pgi-2</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Tpi-1</i>	1	0.000	0.000	0.010	0.000	0.021	0.036
	2	1.000	1.000	0.969	1.000	0.979	0.964
	3	0.000	0.000	0.021	0.000	0.000	0.000
<i>Tpi-2</i>	1	0.707	0.792	0.818	0.771	0.698	0.620
	2	0.293	0.208	0.182	0.229	0.302	0.380
<i>Tpi-3</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	0.990	1.000	0.969	0.969	1.000
	3	0.000	0.010	0.000	0.031	0.031	0.000
<i>Ugpp-1</i>	1	0.000	0.010	0.094	0.036	0.000	0.010
	2	0.723	0.521	0.599	0.516	0.495	0.510
	3	0.277	0.469	0.307	0.448	0.505	0.479
<i>Ugpp-2</i>	1	0.011	0.000	0.010	0.031	0.016	0.089
	2	0.745	0.958	0.724	0.740	0.880	0.797
	3	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.010
	4	0.218	0.011	0.141	0.161	0.073	0.104
	5	0.027	0.031	0.125	0.068	0.031	0.000
<i>6Pgdh-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000	0.000
	3	0.096	0.000	0.245	0.208	0.037	0.109
	4	0.904	0.875	0.734	0.771	0.859	0.854
	5	0.000	0.125	0.021	0.021	0.104	0.037

Continuation Appendix 3.

Locus	Allele	Populations			
		NUE03	NUE05	PAR01	PAR05
<i>Aat-1</i>	1	1.000	0.994	1.000	0.943
	2	0.000	0.006	0.000	0.057
<i>Aat-2</i>	1	0.842	0.816	0.884	0.787
	2	0.158	0.184	0.116	0.213
	3	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Adh-1</i>	1	0.000	0.038	0.000	0.000
	2	0.704	0.327	0.000	0.031
	3	0.296	0.635	1.000	0.969
<i>Ako-1</i>	1	1.000	1.000	0.976	0.969
	2	0.000	0.000	0.000	0.031
	3	0.000	0.000	0.024	0.000
<i>Dia-1</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Dia-2</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.425	0.470	0.079	0.052
	3	0.575	0.530	0.896	0.802
	4	0.000	0.000	0.000	0.136
	5	0.000	0.000	0.024	0.010
<i>Fe-2</i>	1	0.008	0.000	0.000	0.026
	2	0.908	0.964	0.909	0.922
	3	0.000	0.000	0.000	0.005
	4	0.083	0.036	0.091	0.047
<i>Gdh-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.128	0.047
	3	1.000	1.000	0.872	0.917
	4	0.000	0.000	0.000	0.036
<i>Idh-1</i>	1	0.433	0.488	0.457	0.464
	2	0.567	0.512	0.506	0.484
	3	0.000	0.000	0.037	0.052
<i>Mdh-1</i>	1	0.475	0.417	0.683	0.734
	2	0.450	0.583	0.317	0.266
	3	0.075	0.000	0.000	0.000
<i>Mdh-2</i>	1	0.067	0.042	0.177	0.078
	2	0.930	0.958	0.823	0.922
<i>Mdh-3</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.031
	2	1.000	1.000	0.976	0.896
	3	0.000	0.000	0.024	0.073
<i>Mdh-4</i>	1	0.000	0.000	0.134	0.135
	2	1.000	1.000	0.866	0.865
<i>Mnr-2</i>	1	0.958	0.905	0.537	0.547
	2	0.000	0.077	0.378	0.276
	3	0.033	0.012	0.085	0.151
	4	0.008	0.006	0.000	0.026
	5	0.000	0.000	0.000	0.000
<i>Mnr-3</i>	1	0.983	0.988	1.000	1.000
	2	0.017	0.012	0.000	0.000
<i>Pgi-1</i>	1	0.208	0.286	0.262	0.266
	2	0.575	0.440	0.561	0.557
	3	0.150	0.161	0.000	0.026
	4	0.000	0.000	0.024	0.047
	5	0.067	0.113	0.152	0.104
<i>Pgi-2</i>	1	1.000	1.000	1.000	1.000
<i>Tpi-1</i>	1	0.000	0.000	0.000	0.000
	2	1.000	1.000	1.000	0.979
	3	0.000	0.000	0.000	0.021
<i>Tpi-2</i>	1	0.875	0.875	0.701	0.698
	2	0.125	0.125	0.299	0.302
<i>Tpi-3</i>	1	0.100	0.024	0.000	0.021
	2	0.900	0.964	1.000	0.979
	3	0.000	0.012	0.000	0.000
<i>Ugpp-1</i>	1	0.000	0.024	0.000	0.000
	2	0.758	0.964	0.470	0.604
	3	0.242	0.012	0.530	0.396
<i>Ugpp-2</i>	1	0.067	0.059	0.037	0.000
	2	0.892	0.917	0.909	0.865
	3	0.000	0.000	0.000	0.047
	4	0.042	0.024	0.018	0.083
	5	0.000	0.000	0.037	0.005
<i>6Pgdh-2</i>	1	0.017	0.036	0.000	0.000
	2	0.000	0.000	0.122	0.083
	3	0.108	0.071	0.171	0.089
	4	0.867	0.893	0.689	0.812
	5	0.008	0.000	0.018	0.016

